



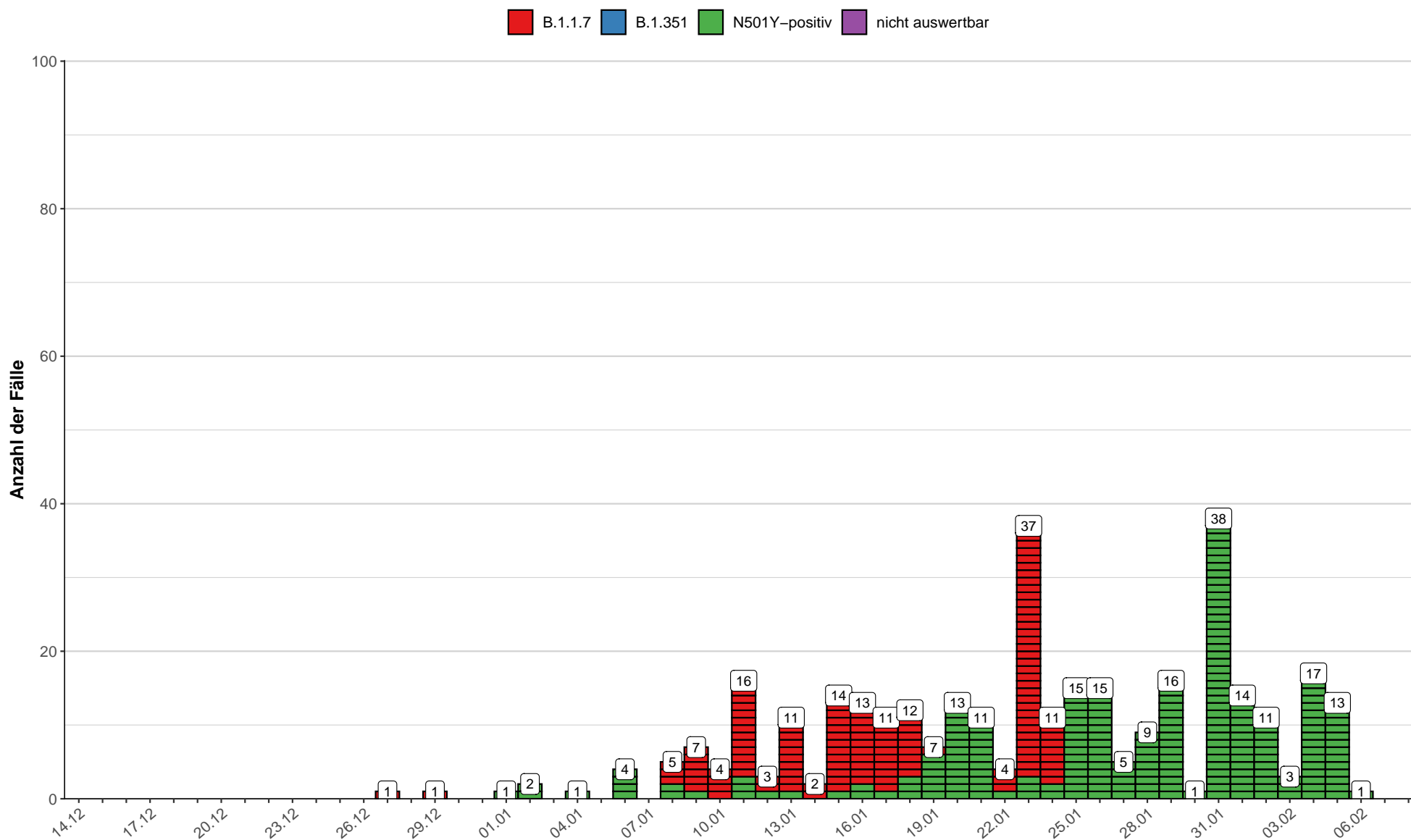
## Covid-19, Varianten Surveillance

AGES, Abteilung Infektionsepidemiologie & Surveillance

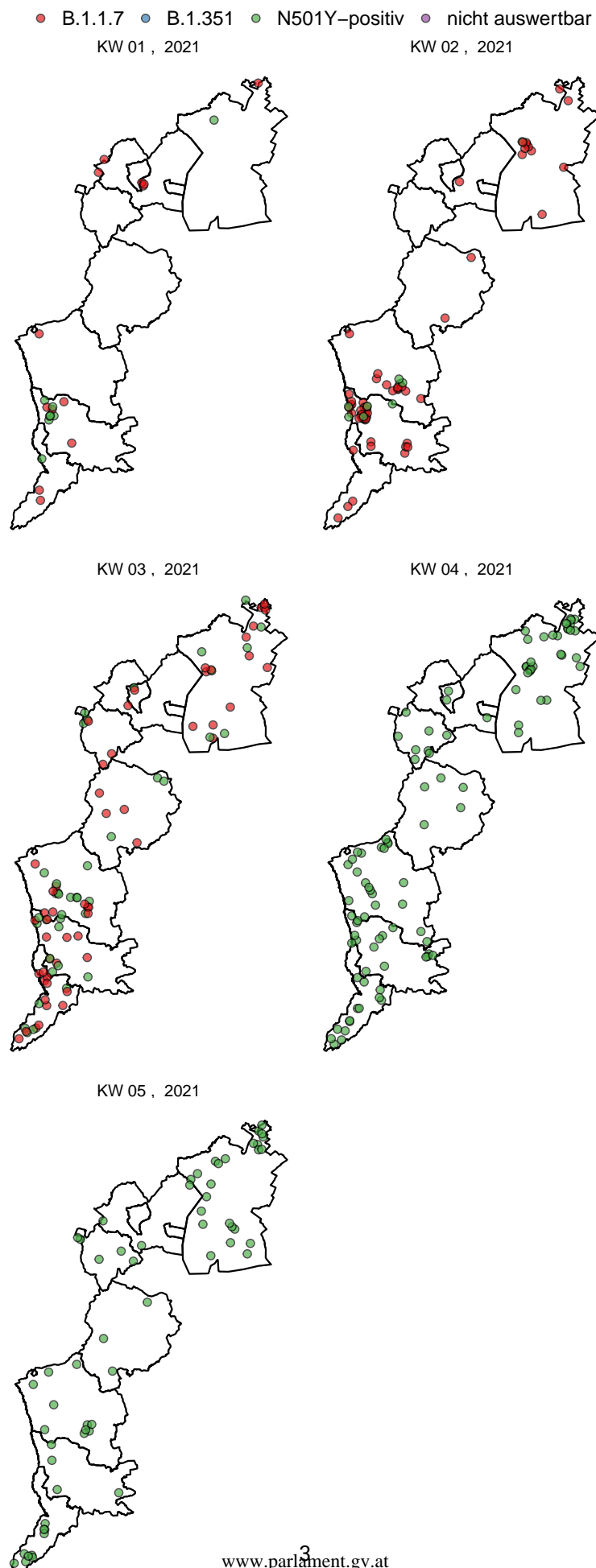
08.02.2021 09:00 (auf Basis des EMS-Falldatenstandes von 08.02.2021 07:00)

# Burgenland

**Abbildung 1:** Burgenland, Fälle N501Y positiv, Fall rot: B.1.1.7 positiv, Fall blau: B.1.351 positiv, Fall violett: andere Mutation auf Basis von Sequenzierung (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung)



**Abbildung 2:** Burgenland, N501Y-positive Fälle nach Kalenderwoche der Labordiagnose. Jeder Punkt repräsentiert einen Verdachtsfall, die Position der Punkte wird durch eine zufällige kleine Abweichung zum Centroid der Wohngemeinde festgelegt (Aufgrund fehlender Adressdaten werden 4 Verdachtsfälle nicht dargestellt).

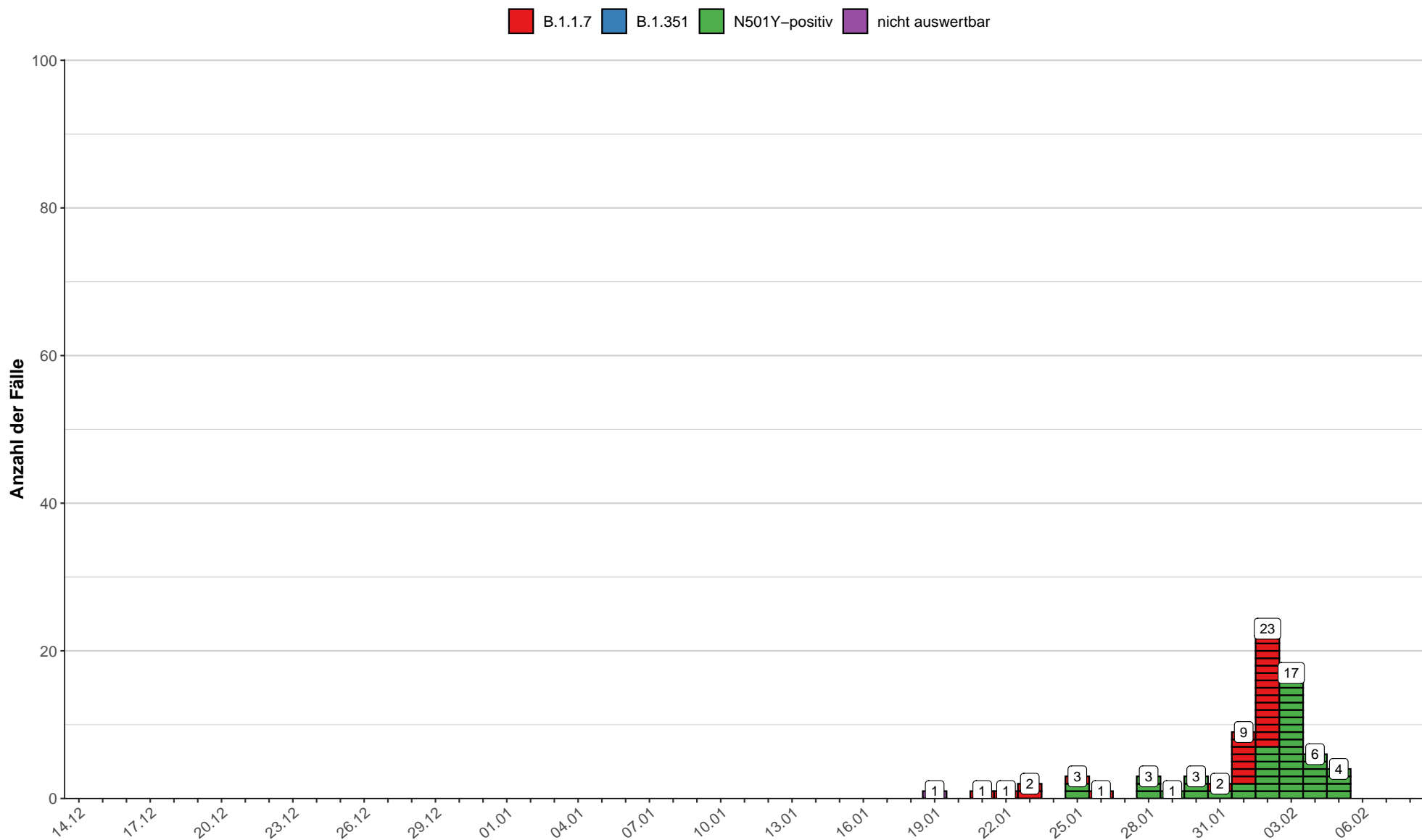


**Tabelle 1:** Burgenland, Anzahl der bestätigten SARS-Cov2 Fälle, der erfolgten PCR-Screenings und Sequenzierungen (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung) nach Kalenderwoche

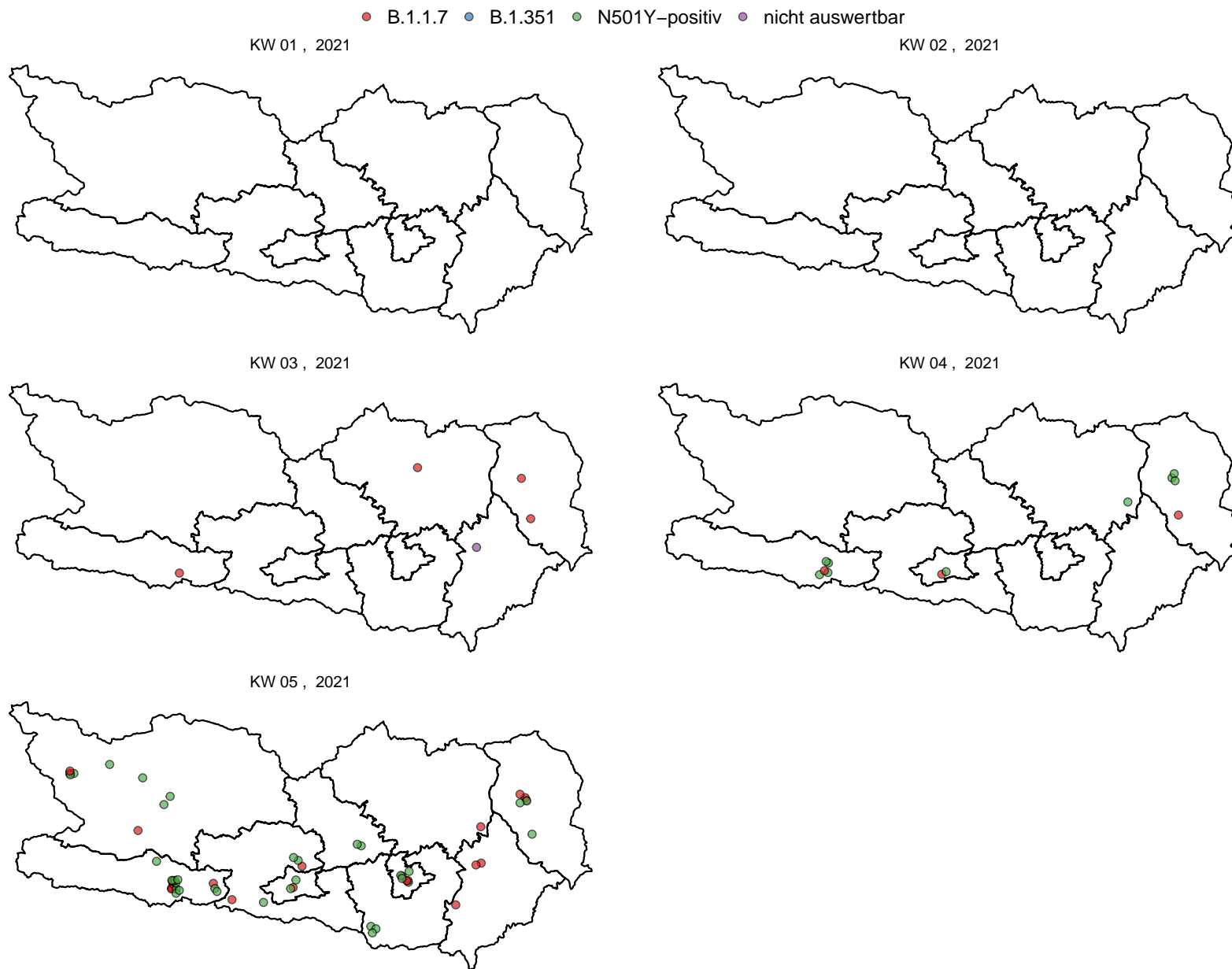
	KW 01, 2021	KW 02, 2021	KW 03, 2021	KW 04, 2021	KW 05, 2021
Fälle gesamt	399	326	300	254	272
Screening PCR auf Mutation(en)	199	182	198	193	117
N501Y positiv	21	70	95	99	59
Variante B.1.1.7	13	61	56	0	0
Variante B.1.351	0	0	0	0	0
Variante nicht auswertbar	0	0	0	0	0
noch nicht sequenziert	8	9	39	99	59

## Kärnten

**Abbildung 3:** Kärnten, Fälle N501Y positiv, Fall rot: B.1.1.7 positiv, Fall blau: B.1.351 positiv, Fall violett: andere Mutation auf Basis von Sequenzierung (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung)



**Abbildung 4:** Kärnten, N501Y-positive Fälle nach Kalenderwoche der Labordiagnose. Jeder Punkt repräsentiert einen Verdachtsfall, die Position der Punkte wird durch eine zufällige kleine Abweichung zum Centroid der Wohngemeinde festgelegt (Aufgrund fehlender Adressdaten werden 2 Verdachtsfälle nicht dargestellt).

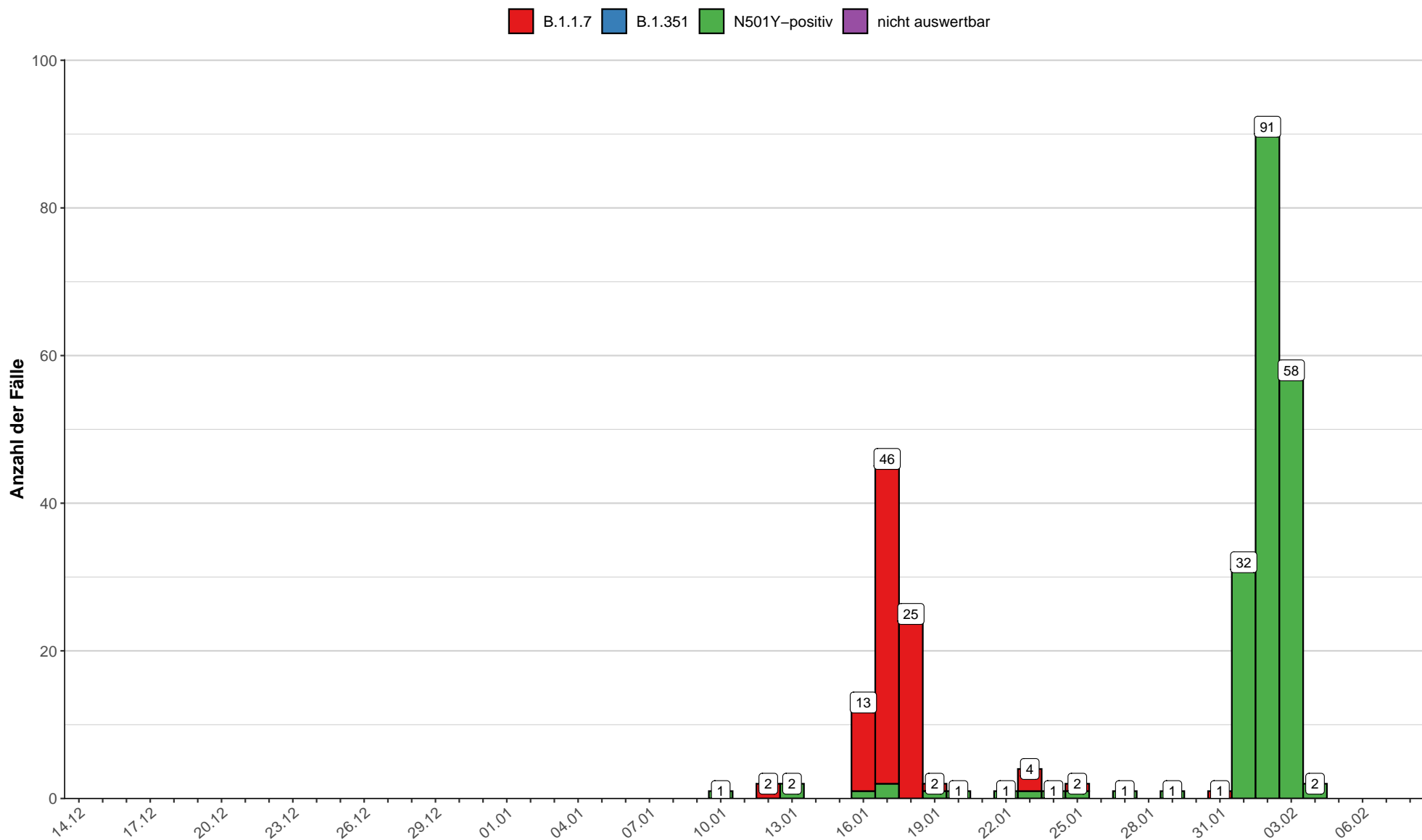


**Tabelle 2:** Kärnten, Anzahl der bestätigten SARS-Cov2 Fälle, der erfolgten PCR-Screenings und Sequenzierungen (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung) nach Kalenderwoche

	KW 01, 2021	KW 02, 2021	KW 03, 2021	KW 04, 2021	KW 05, 2021
Fälle gesamt	1304	843	816	686	730
Screening PCR auf Mutation(en)	4	19	130	193	260
N501Y positiv	0	0	5	13	59
Variante B.1.1.7	0	0	4	3	23
Variante B.1.351	0	0	0	0	0
Variante nicht auswertbar	0	0	1	0	0
noch nicht sequenziert	0	0	0	10	36

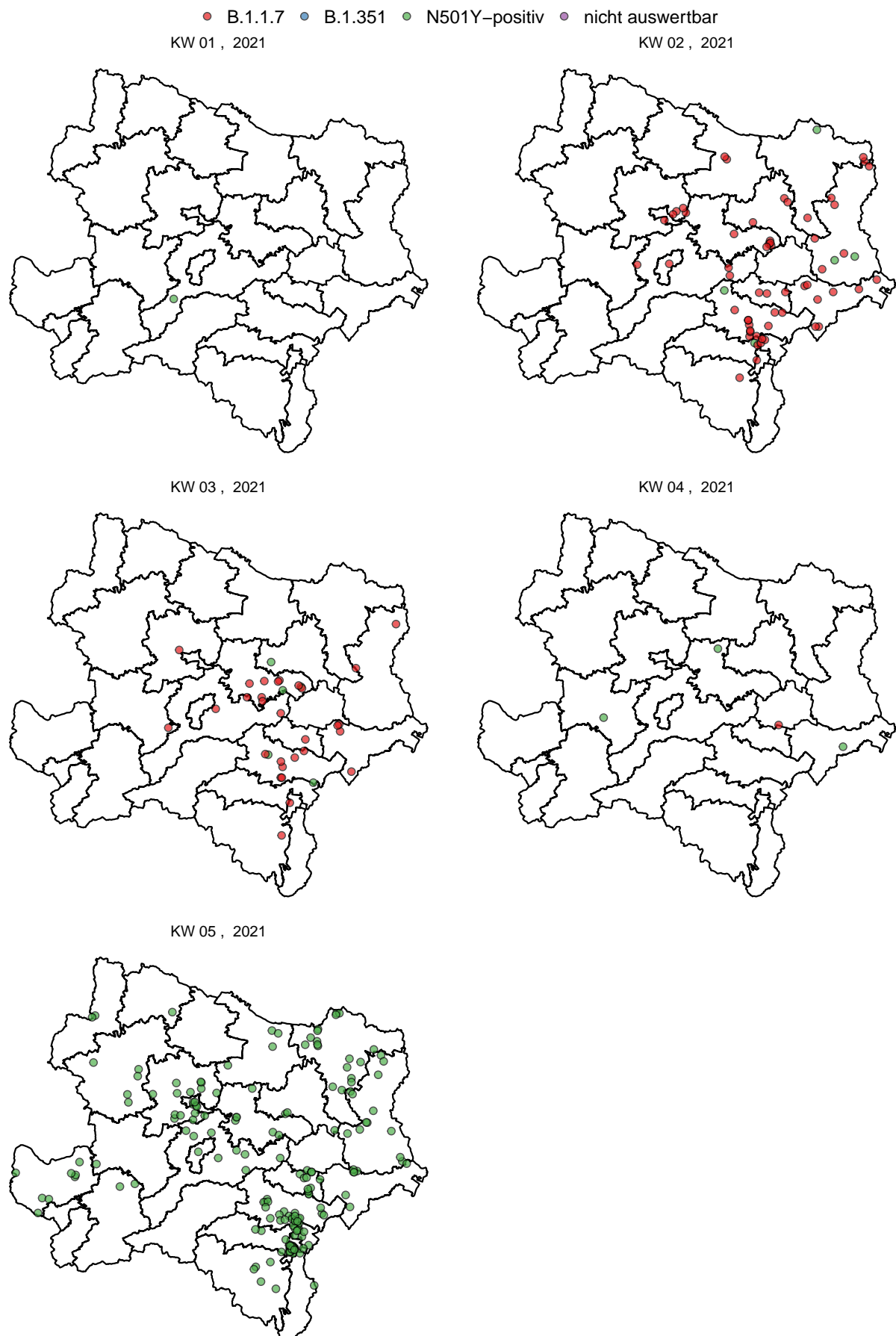
## Niederösterreich

**Abbildung 5:** Niederösterreich, Fälle N501Y positiv, Fall rot: B.1.1.7 positiv, Fall blau: B.1.351 positiv, Fall violett: andere Mutation auf Basis von Sequenzierung (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung)





**Abbildung 6:** Niederösterreich, N501Y-positive Fälle nach Kalenderwoche der Labordiagnose. Jeder Punkt repräsentiert einen Verdachtsfall, die Position der Punkte wird durch eine zufällige kleine Abweichung zum Centroid der Wohngemeinde festgelegt (Aufgrund fehlender Adressdaten werden 6 Verdachtsfälle nicht dargestellt).

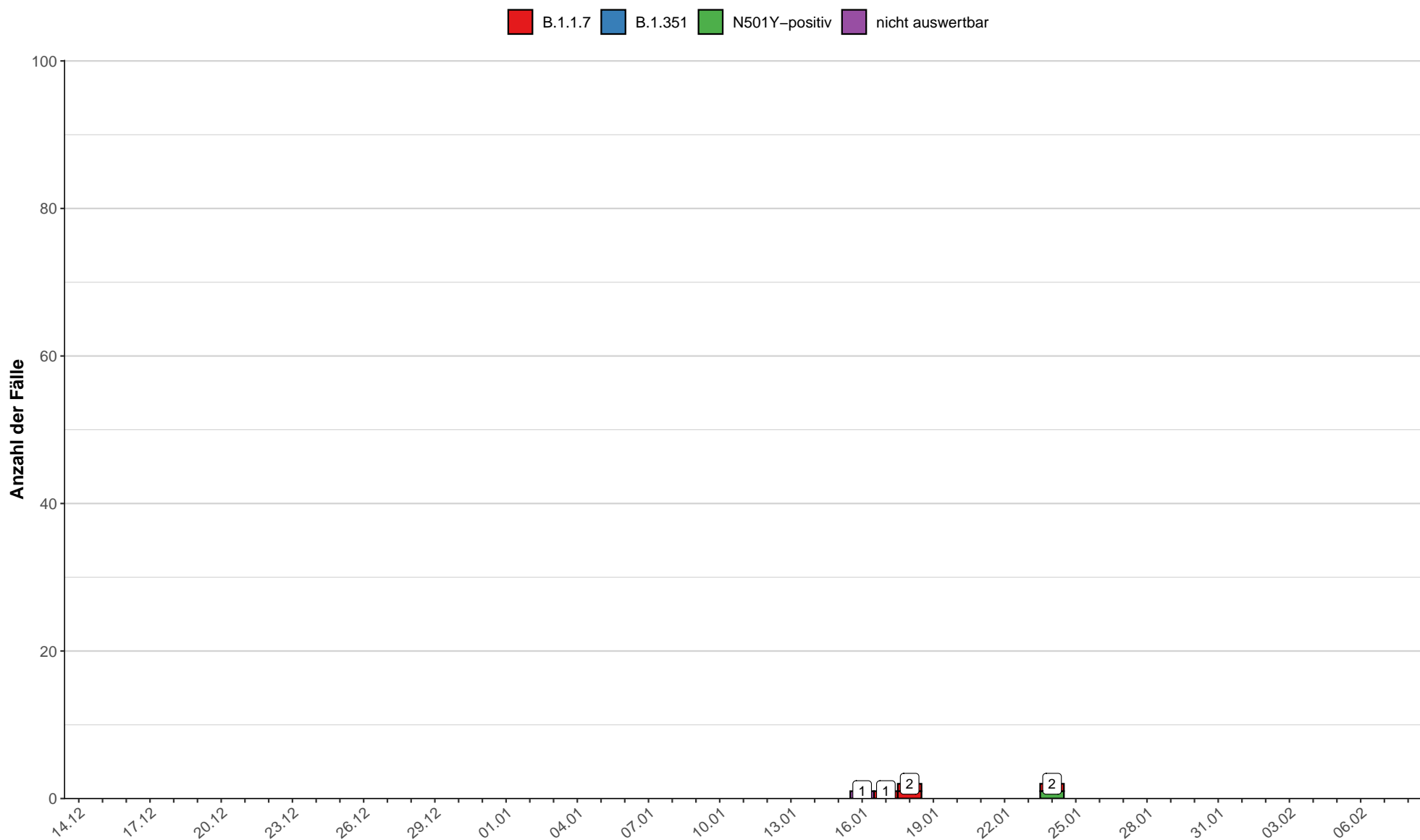


**Tabelle 3:** Niederösterreich, Anzahl der bestätigten SARS-Cov2 Fälle, der erfolgten PCR-Screenings und Sequenzierungen (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung) nach Kalenderwoche

	KW 01, 2021	KW 02, 2021	KW 03, 2021	KW 04, 2021	KW 05, 2021
Fälle gesamt	2531	2037	1858	1698	1773
Screening PCR auf Mutation(en)	13	69	40	12	186
N501Y positiv	1	63	34	5	183
Variante B.1.1.7	0	58	29	2	0
Variante B.1.351	0	0	0	0	0
Variante nicht auswertbar	0	0	0	0	0
noch nicht sequenziert	1	5	5	3	183

## Oberösterreich

**Abbildung 7:** Oberösterreich, Fälle N501Y positiv, Fall rot: B.1.1.7 positiv, Fall blau: B.1.351 positiv, Fall violett: andere Mutation auf Basis von Sequenzierung (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung)



**Abbildung 8:** Oberösterreich, N501Y-positive Fälle nach Kalenderwoche der Labordiagnose. Jeder Punkt repräsentiert einen Verdachtsfall, die Position der Punkte wird durch eine zufällige kleine Abweichung zum Centroid der Wohngemeinde festgelegt.

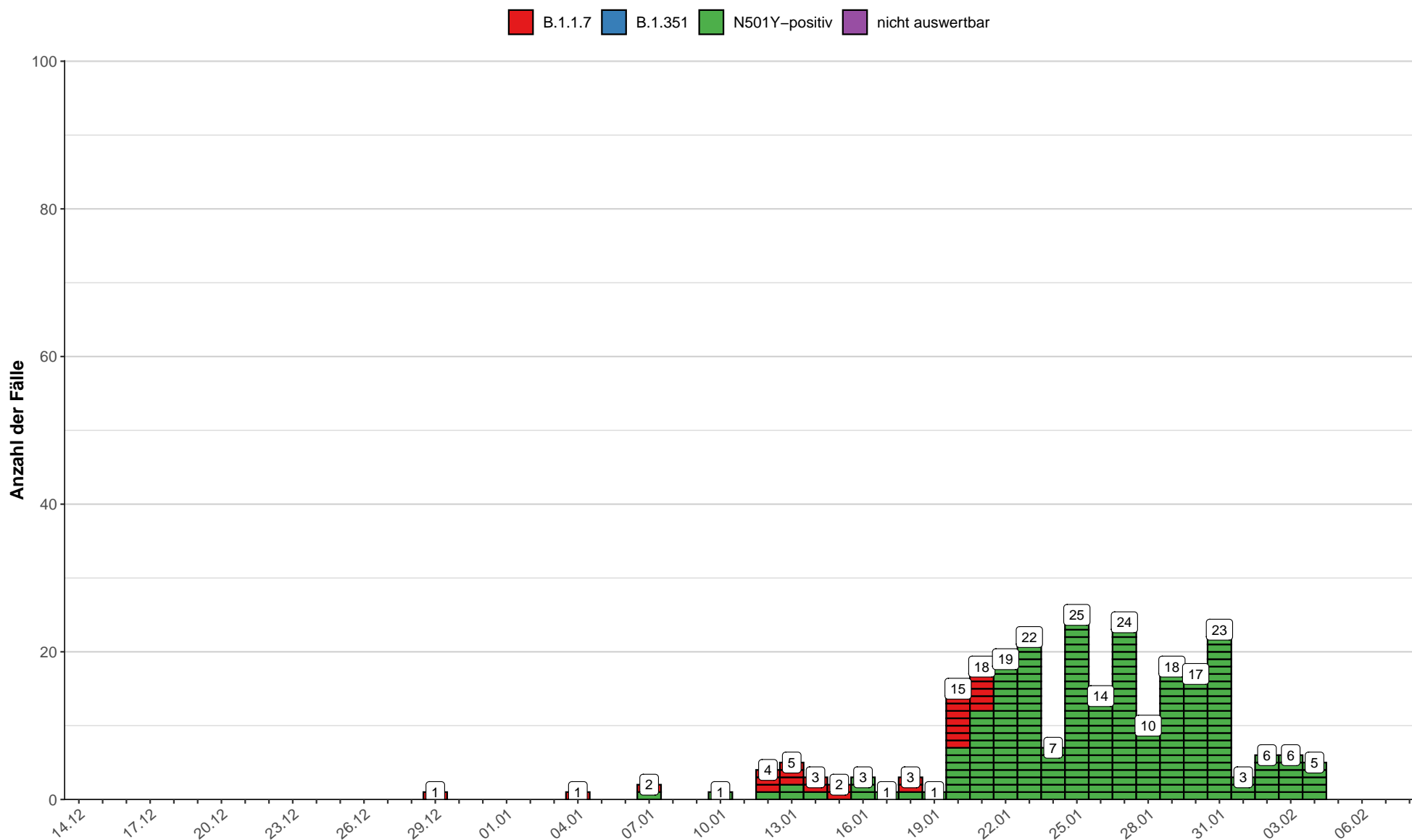


**Tabelle 4:** Oberösterreich, Anzahl der bestätigten SARS-Cov2 Fälle, der erfolgten PCR-Screenings und Sequenzierungen (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung) nach Kalenderwoche

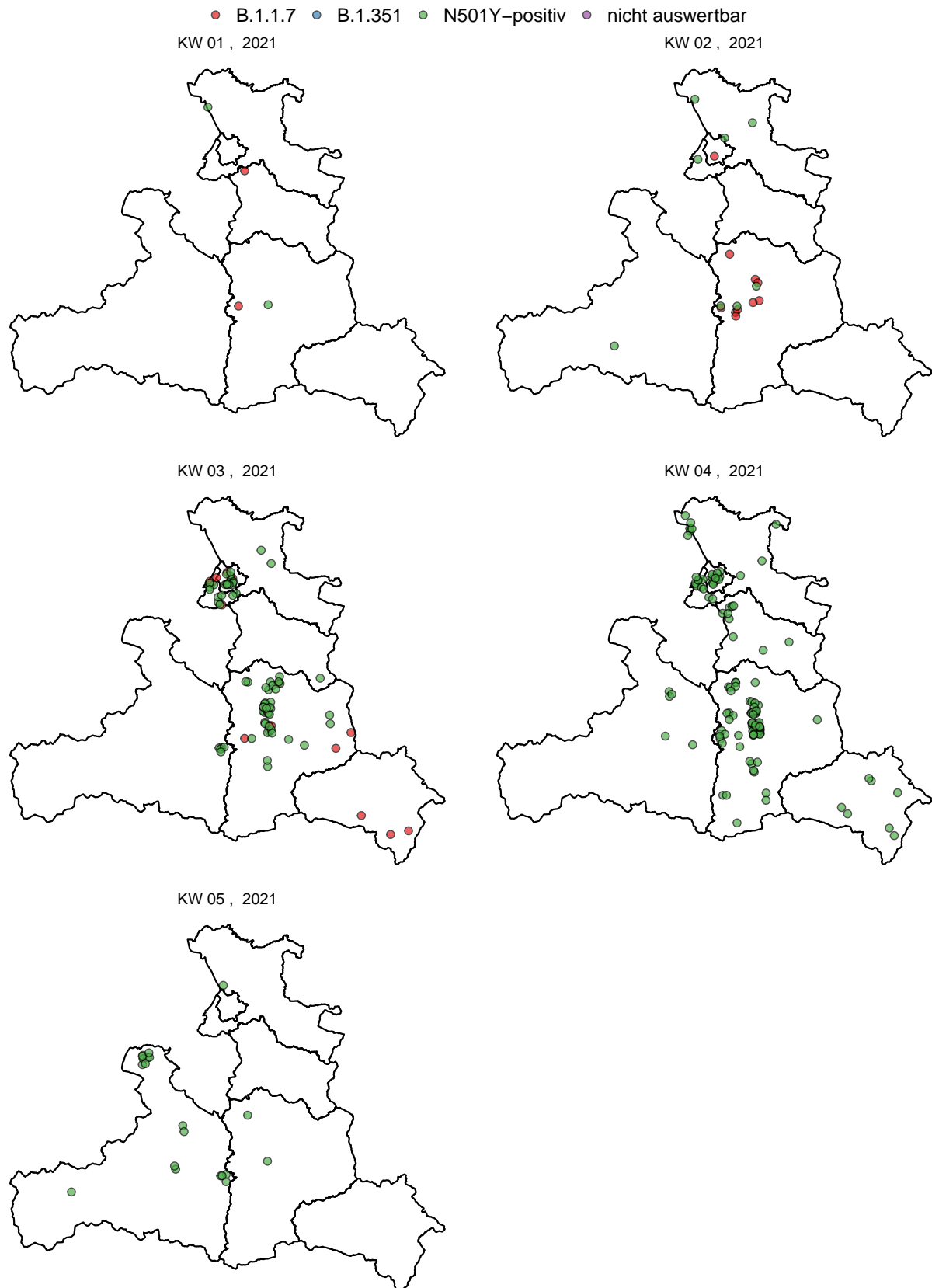
	KW 01, 2021	KW 02, 2021	KW 03, 2021	KW 04, 2021	KW 05, 2021
Fälle gesamt	2355	1661	1504	1334	1243
Screening PCR auf Mutation(en)	7	6	16	16	0
N501Y positiv	0	2	4	0	0
Variante B.1.1.7	0	1	3	0	0
Variante B.1.351	0	0	0	0	0
Variante nicht auswertbar	0	1	0	0	0
noch nicht sequenziert	0	0	1	0	0

# Salzburg

**Abbildung 9:** Salzburg, Fälle N501Y positiv, Fall rot: B.1.1.7 positiv, Fall blau: B.1.351 positiv, Fall violett: andere Mutation auf Basis von Sequenzierung (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung)



**Abbildung 10:** Salzburg, N501Y-positive Fälle nach Kalenderwoche der Labordiagnose. Jeder Punkt repräsentiert einen Verdachtsfall, die Position der Punkte wird durch eine zufällige kleine Abweichung zum Centroid der Wohngemeinde festgelegt.



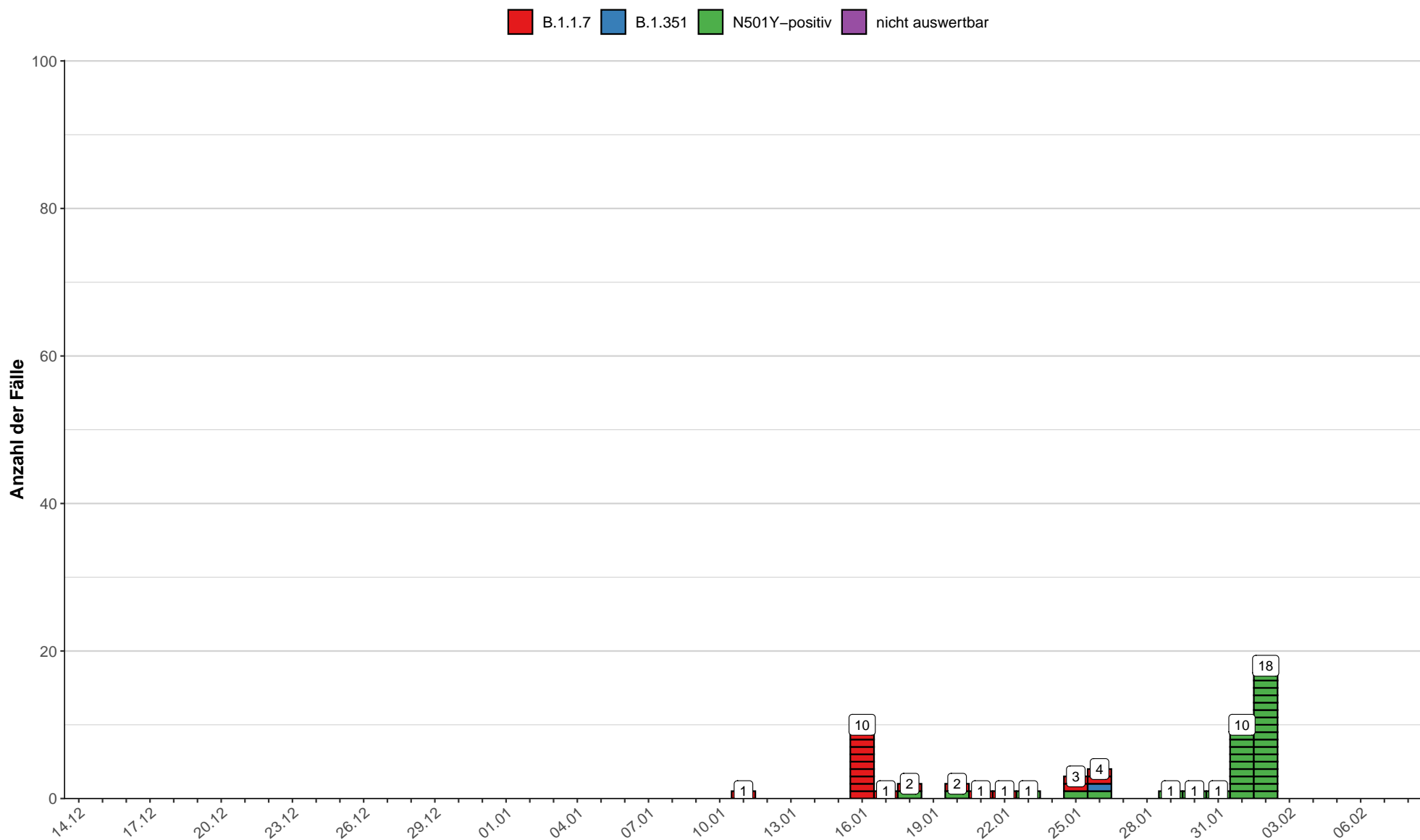
**Tabelle 5:** Salzburg, Anzahl der bestätigten SARS-Cov2 Fälle, der erfolgten PCR-Screenings und Sequenzierungen (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung) nach Kalenderwoche

	KW 01, 2021	KW 02, 2021	KW 03, 2021	KW 04, 2021	KW 05, 2021
Fälle gesamt	1707	1309	1181	983	842
Screening PCR auf Mutation(en)	57	102	471	667	24
N501Y positiv	4	18	85	131	20
Variante B.1.1.7	2	10	17	0	0
Variante B.1.351	0	0	0	0	0
Variante nicht auswertbar	0	0	0	0	0
noch nicht sequenziert	2	8	68	131	20

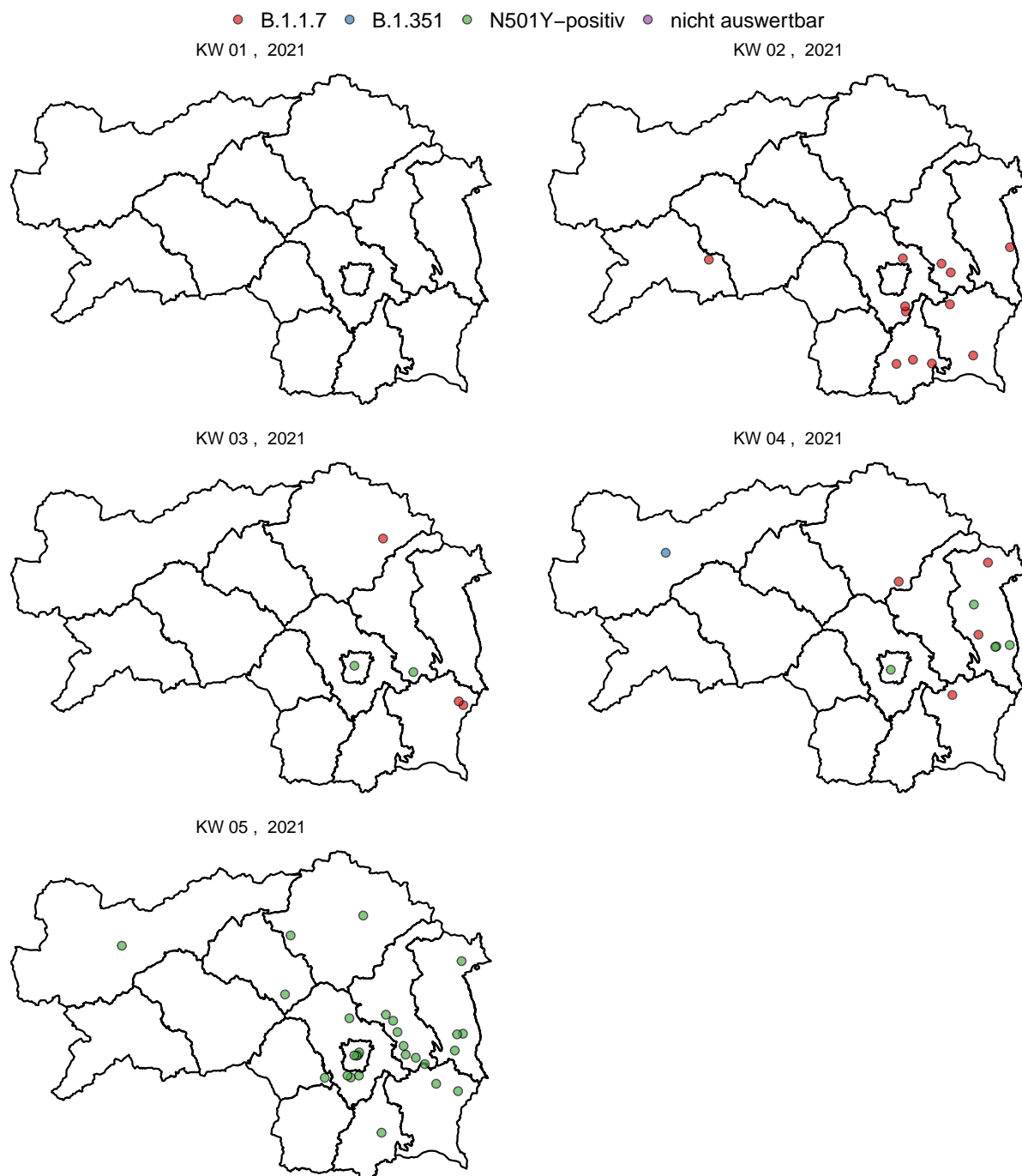


## Steiermark

**Abbildung 11:** Steiermark, Fälle N501Y positiv, Fall rot: B.1.1.7 positiv, Fall blau: B.1.351 positiv, Fall violett: andere Mutation auf Basis von Sequenzierung (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung)



**Abbildung 12:** Steiermark, N501Y-positive Fälle nach Kalenderwoche der Labordiagnose. Jeder Punkt repräsentiert einen Verdachtsfall, die Position der Punkte wird durch eine zufällige kleine Abweichung zum Centroid der Wohngemeinde festgelegt (Aufgrund fehlender Adressdaten werden 2 Verdachtsfälle nicht dargestellt).

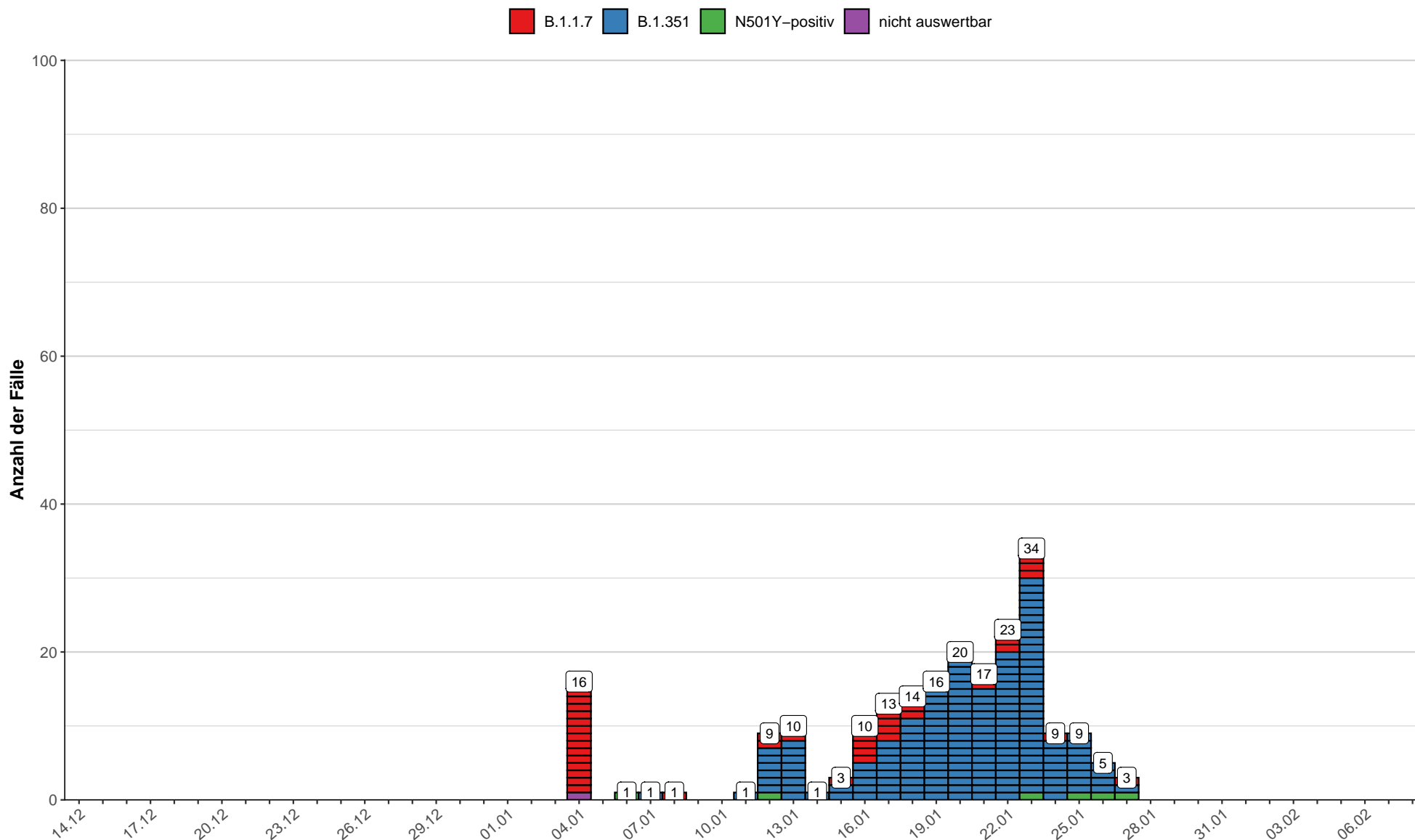


**Tabelle 6:** Steiermark, Anzahl der bestätigten SARS-Cov2 Fälle, der erfolgten PCR-Screenings und Sequenzierungen (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung) nach Kalenderwoche

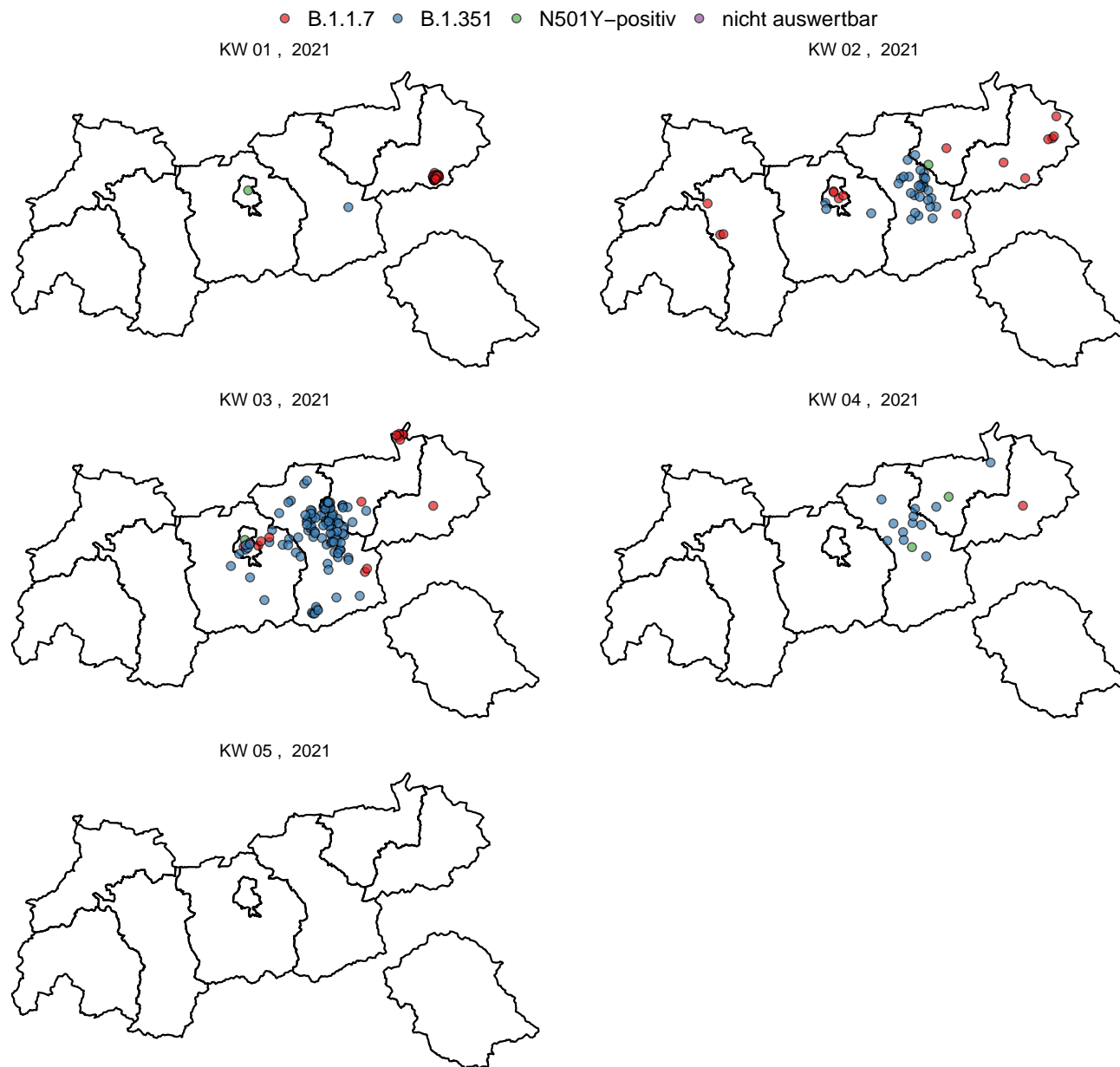
	KW 01, 2021	KW 02, 2021	KW 03, 2021	KW 04, 2021	KW 05, 2021
Fälle gesamt	1978	1395	1339	1435	1408
Screening PCR auf Mutation(en)	3	15	24	25	135
N501Y positiv	0	12	7	10	28
Variante B.1.1.7	0	12	4	4	0
Variante B.1.351	0	0	0	1	0
Variante nicht auswertbar	0	0	0	0	0
noch nicht sequenziert	0	0	3	5	28

# Tirol

**Abbildung 13:** Tirol, Fälle N501Y positiv, Fall rot: B.1.1.7 positiv, Fall blau: B.1.351 positiv, Fall violett: andere Mutation auf Basis von Sequenzierung (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung)



**Abbildung 14:** Tirol, N501Y-positive Fälle nach Kalenderwoche der Labordiagnose. Jeder Punkt repräsentiert einen Verdachtsfall, die Position der Punkte wird durch eine zufällige kleine Abweichung zum Centroid der Wohngemeinde festgelegt (Aufgrund fehlender Adressdaten werden 9 Verdachtsfälle nicht dargestellt).

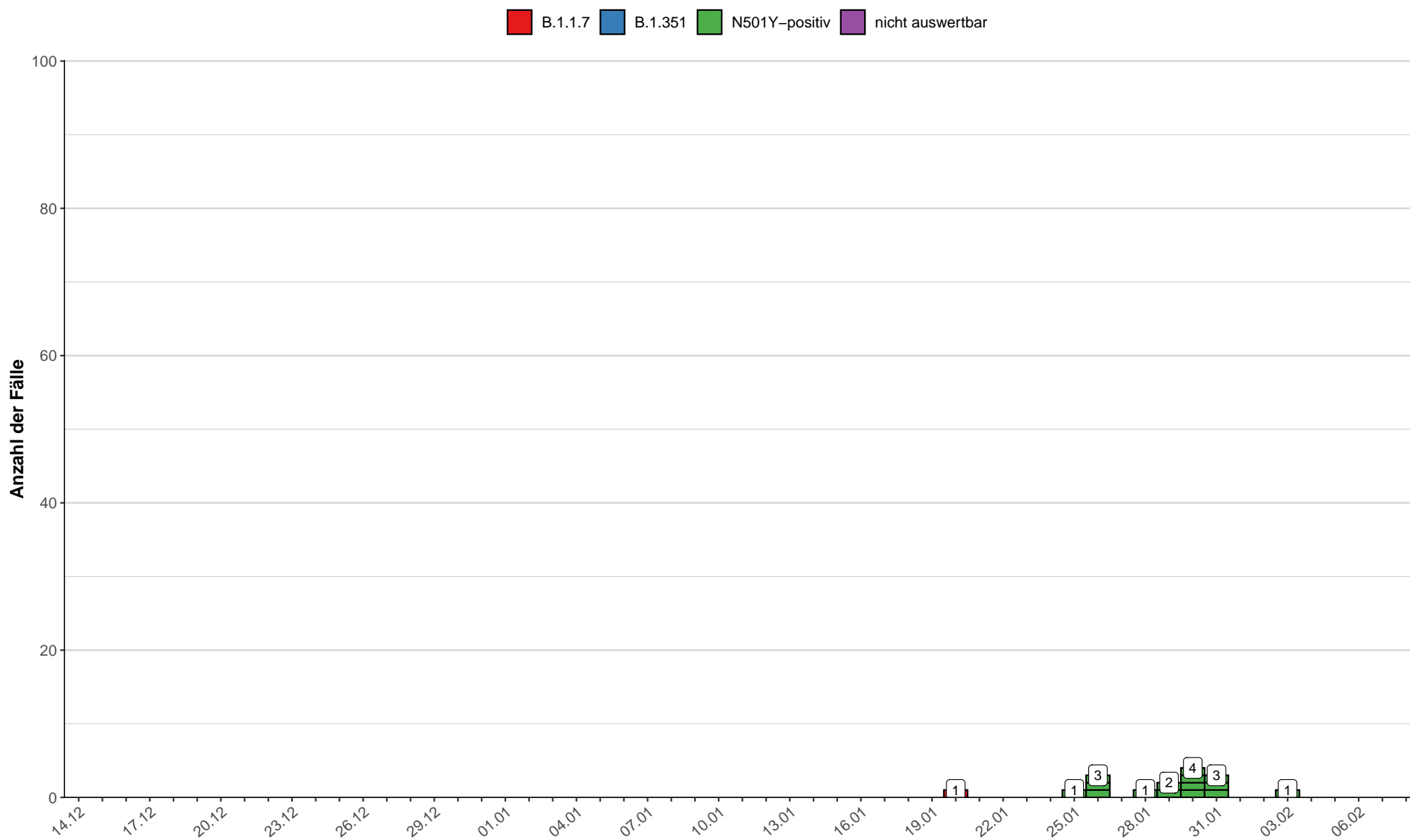


**Tabelle 7:** Tirol, Anzahl der bestätigten SARS-Cov2 Fälle, der erfolgten PCR-Screenings und Sequenzierungen (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung) nach Kalenderwoche

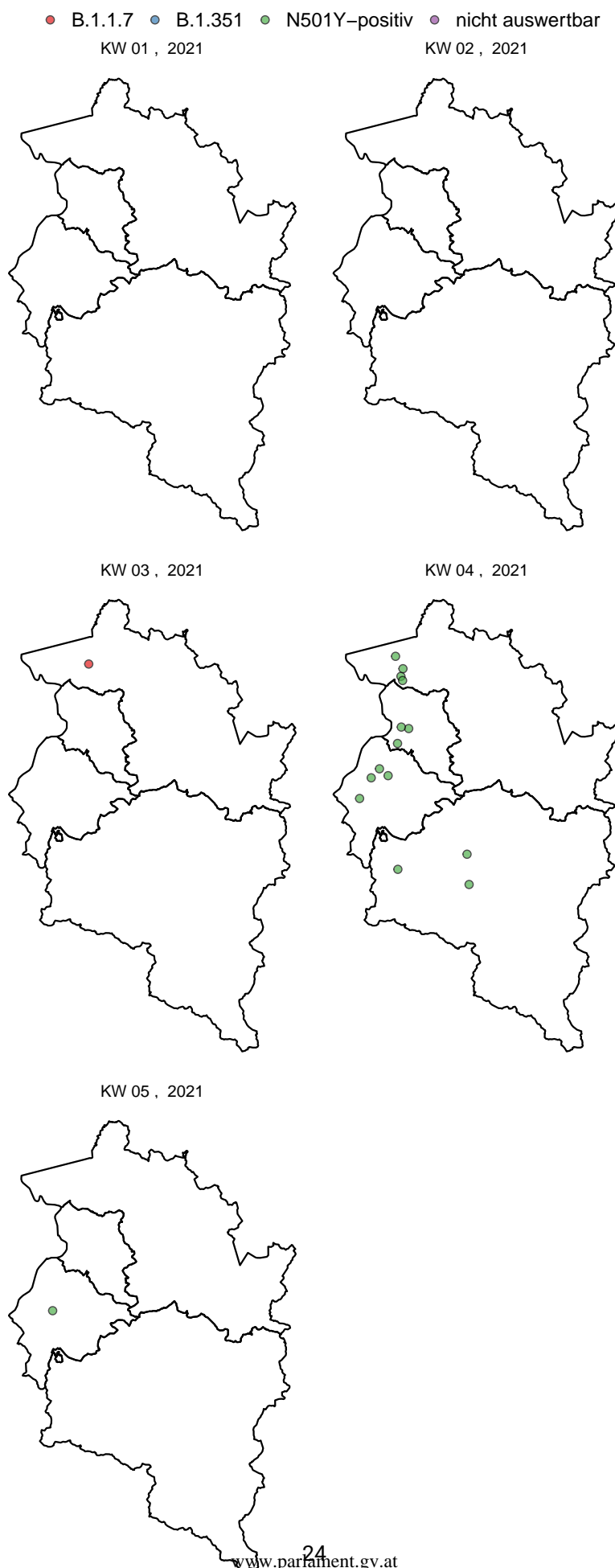
	KW 01, 2021	KW 02, 2021	KW 03, 2021	KW 04, 2021	KW 05, 2021
Fälle gesamt	1107	785	831	864	684
Screening PCR auf Mutation(en)	46	146	188	26	0
N501Y positiv	19	47	133	17	0
Variante B.1.1.7	16	15	15	1	0
Variante B.1.351	1	31	117	13	0
Variante nicht auswertbar	1	0	0	0	0
noch nicht sequenziert	1	1	1	3	0

## Vorarlberg

**Abbildung 15:** Vorarlberg, Fälle N501Y positiv, Fall rot: B.1.1.7 positiv, Fall blau: B.1.351 positiv, Fall violett: andere Mutation auf Basis von Sequenzierung (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung)



**Abbildung 16:** Vorarlberg, N501Y-positive Fälle nach Kalenderwoche der Labordiagnose. Jeder Punkt repräsentiert einen Verdachtsfall, die Position der Punkte wird durch eine zufällige kleine Abweichung zum Centroid der Wohngemeinde festgelegt.



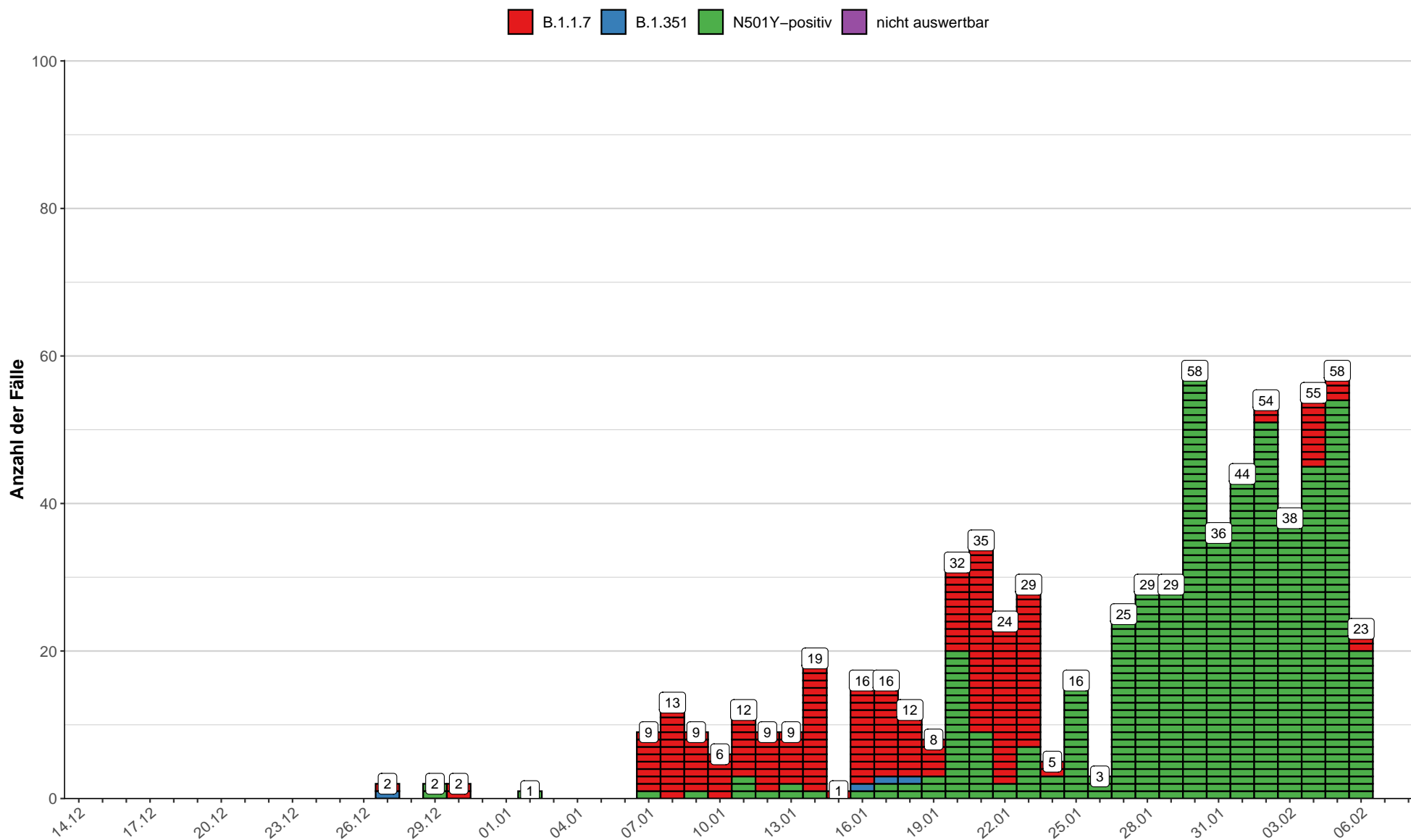


**Tabelle 8:** Vorarlberg, Anzahl der bestätigten SARS-Cov2 Fälle, der erfolgten PCR-Screenings und Sequenzierungen (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung) nach Kalenderwoche

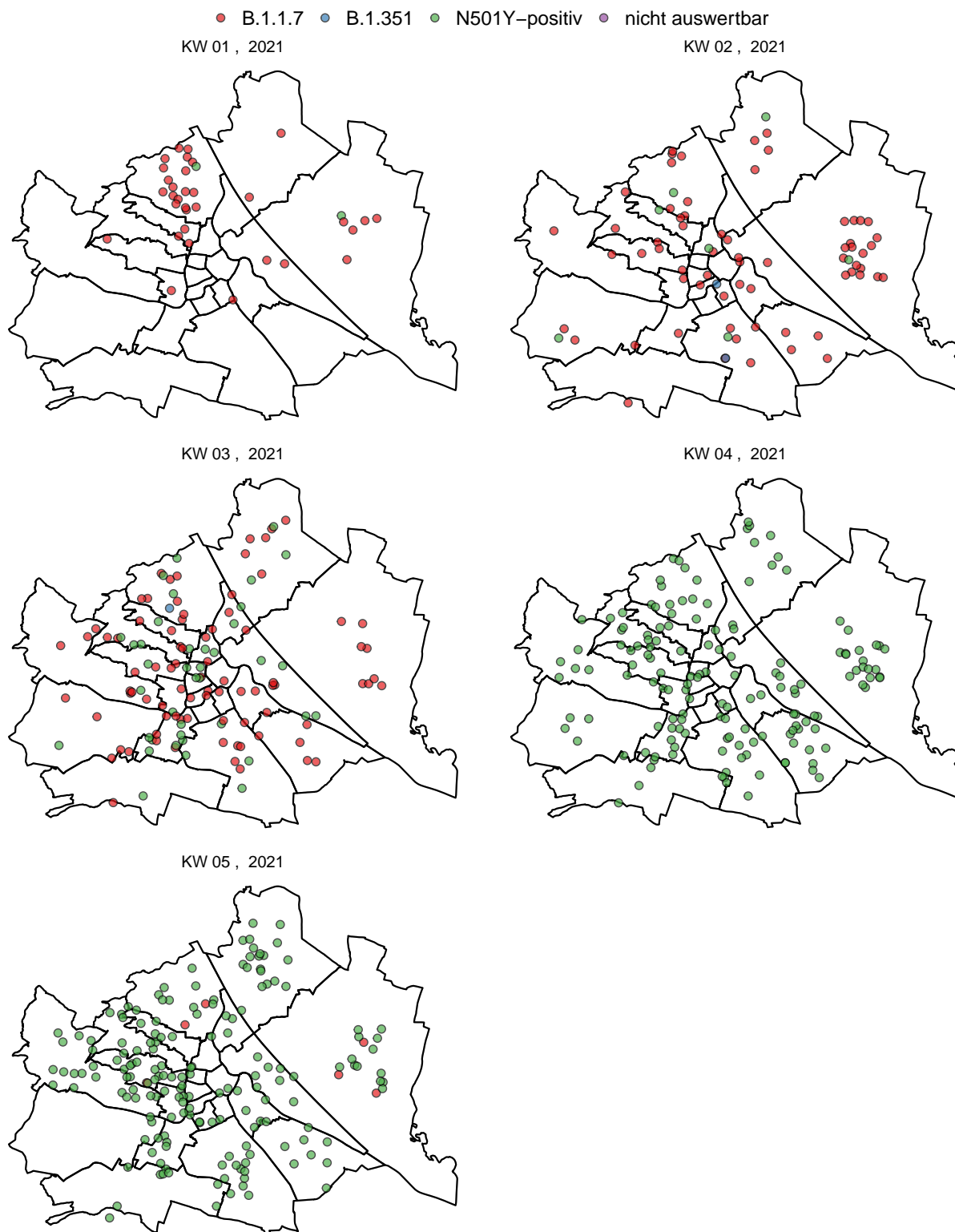
	KW 01, 2021	KW 02, 2021	KW 03, 2021	KW 04, 2021	KW 05, 2021
Fälle gesamt	787	576	497	412	376
Screening PCR auf Mutation(en)	5	9	20	201	5
N501Y positiv	0	0	1	14	1
Variante B.1.1.7	0	0	1	0	0
Variante B.1.351	0	0	0	0	0
Variante nicht auswertbar	0	0	0	0	0
noch nicht sequenziert	0	0	0	14	1

# Wien

**Abbildung 17:** Wien, Fälle N501Y positiv, Fall rot: B.1.1.7 positiv, Fall blau: B.1.351 positiv, Fall violett: andere Mutation auf Basis von Sequenzierung (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung)



**Abbildung 18:** Wien, N501Y-positive Fälle nach Kalenderwoche der Labordiagnose. Jeder Punkt repräsentiert einen Verdachtsfall, die Position der Punkte wird durch eine zufällige kleine Abweichung zum Centroid der Wohngemeinde festgelegt (Aufgrund fehlender Adressdaten werden 171 Verdachtsfälle nicht dargestellt).



**Tabelle 9:** Wien, Anzahl der bestätigten SARS-Cov2 Fälle, der erfolgten PCR-Screenings und Sequenzierungen (Sanger-Sequenzierung, SARSeq-Sequenzierung oder Ganzgenom-Sequenzierung) nach Kalenderwoche

	KW 01, 2021	KW 02, 2021	KW 03, 2021	KW 04, 2021	KW 05, 2021
Fälle gesamt	2449	2031	1805	1874	1837
Screening PCR auf Mutation(en)	64	195	434	428	446
N501Y positiv	37	82	145	196	272
Variante B.1.1.7	35	70	98	0	21
Variante B.1.351	0	2	1	0	0
Variante nicht auswertbar	0	0	0	0	0
noch nicht sequenziert	2	10	46	196	251